荧光免疫层析试条成像检测系统的设计

徐笑晗,夏果,金施群,吴骕,王国栋

合肥工业大学光电技术研究院特种显示技术教育部重点实验室,特种显示技术国家工程实验室, 省部共建现代显示技术国家重点实验室,安徽 合肥 230009

摘要 为了实现对荧光免疫层析试条浓度的定量测量,设计了一种荧光免疫层析试条成像检测系统。采用 365 nm 紫外线发光二极管(LED)作为激发光源,通过手持式变倍显微镜相机采集免疫层析试条的荧光图像。根据试条图 像荧光检测线和质控线区域位置相对固定的特性,使用最大类间方差遗传算法对图像进行分割,并通过对荧光区 域进行定位来去除背景噪声;然后对分割出的荧光图像进行背景滤除,计算出检测线和质控线的灰度值;最后计算 荧光区域的特征值,实现对荧光试条浓度的定量检测。实验证明,荧光免疫层析试条成像检测系统的重复性好,5 种不同浓度的荧光试条各进行 10 次重复性检测,检测结果的变异系数均小于 0.5%,拟合出的标准曲线的拟合程 度可达 0.99944,实现了快速定量化检测。

关键词 成像系统;荧光免疫层析检测试条;图像传感器;最大类间方差法;遗传算法;定量检测
 中图分类号 TP216.3; TP212.3
 文献标识码 A
 doi: 10.3788/CJL201845.0407005

Design of Imaging Detection System for Fluorescent Immune-Chromatographic Test Strip

Xu Xiaohan, Xia Guo, Jing Shiqun, Wu Su, Wang Guodong

Key Laboratory of Special Display Technology of the Ministry of Education, National Engineering Laboratory of Special Display Technology, National Key Laboratory of Advanced Display Technology, Academy of Photoelectric Technology, Hefei University of Technology, Hefei, Anhui 230009, China

Abstract An imaging detection system is designed to achieve quantitative measurement of the concentration of fluorescent immune-chromatographic test strip. Using 365 nm ultraviolet light emitting diode (LED) as the excitation light, we capture the clear image of fluorescent immune-chromatographic test strip by the hand-held zoom microscope camera. Genetic algorithm on the base of Otsu is used to segment the image according to the characteristic of relatively fixed position of the detection line and the quality control line. Then, the background noise is removed by the fluorescence region localization method. The segmented fluorescence image background is filtered out and the gray values of the detection line and the quality control line are calculated. Finally, the eigenvalues of the fluorescence region are calculated to realize the quantitative analysis for the concentration of the fluorescence test strip. The experimental results show that the fluorescence detection system has good repeatability. Five different concentrations of fluorescent test strips are tested for ten times. The variable coefficients of the results are less than 0.5%. The fitting degree of the standard curve reaches 0.99944, and the rapid quantitative detection is realized.

Key words imaging systems; fluorescent immune-chromatographic test strip; image sensor; Ostu method; genetic algorithm; quantitative detection

OCIS codes 170.0110; 100.2960; 170.2520; 100.2000

收稿日期: 2017-06-27; 收到修改稿日期: 2017-07-27

基金项目:国家重大科学仪器设备开发专项(2013YQ220749)、中央高校基本科研业务费专项基金(JZ2016HGBZ0754) 作者简介:徐笑晗(1991—),男,硕士研究生,主要从事光电检测方面的研究。E-mail:a316729521@qq.com 导师简介:夏果(1983—),男,博士,助理研究员,主要从事光电检测方面的研究。E-mail:xiaguo@hfut.edu.cn(通信联系人)

1 引 言

免疫层析检测技术^[1-2]是一种抗体抗原特异性 反应与色谱层析技术相结合的检测技术,其原理是 利用亲和层析法来实现相同生物学特性的组分相结 合、不同生物学特性的组分相分离,并结合特异性免 疫反应原理实现待测物浓度的定性或定量分析^[3]。 荧光免疫层析技术是在免疫层析技术的基础上,利 用荧光标记物通过检测荧光信号强度来定量检测待 测物浓度的检测技术。荧光免疫层析技术具有灵敏 度高、稳定性强、可以定量反映待测物浓度等特点, 已广泛运用于临床诊断、环境检测、食品安全检测等 多个领域,所以研究并完善荧光免疫层析定量检测 系统具有十分重要的实际意义。

目前,实现对免疫层析试条浓度定量检测的系统 大多数是以光电二极管为核心的光电扫描检测系统, 光电扫描检测利用光电二极管将荧光信号转换为电 信号进行分析,进而求得与测试线亮度相关的待测物 浓度。Huang 等^[4]提出了一种针对上转换磷光粒子 层析试纸条的光学检测仪,任冰强等^[5]提出了一种基 于免疫层析技术的时间分辨荧光免疫分析仪,刘翔 等[6]提出了一种荧光免疫层析定量检测系统,但利用 这类系统在扫描过程中进行测量时,测量时间比较 长,而且仪器中的传动装置会增加仪器的复杂度和不 稳定性。荧光试条成像检测系统主要利用互补金属 氧化物半导体(CMOS)、CCD图像传感器采集荧光试 条图像,能够提高检测结果的稳定性,并具有速度快、 无复杂机械结构等优点[7]。Zhang 等[8] 提出了一种 基于 CCD 的针对量子点标记试条的成像检测系统, Gui 等^[9]提出了一种基于 CCD 的针对 CdS 量子点标 记试条的成像检测系统。这两种系统都是通过 CCD 传感器采集试条图像来实现待测物定量检测的。

根据荧光试条图像的特点,本文搭建了一种能 快速准确地实现荧光免疫层析试条浓度定量检测的 成像系统。该系统通过手持式变倍显微镜获得清晰 的荧光试条图像。采用分区域最大类间方差 (Otsu)遗传算法分割出荧光试条图像的质控线和 检测线区域。当背景中的噪声信号比荧光区域的信 号强时,阈值的分割效果较差。为了弥补阈值分割 的缺陷,采用形态学开闭运算和基于试条荧光区域 窄带特性进行荧光区域定位,以去除背景噪声的影 响。荧光区域确定后,使用周围元素法对荧光区域 进行背景滤除,最后计算荧光区域的特征值,并对其 进行定量分析。

2 成像检测仪系统

2.1 检测仪的采集系统结构

荧光免疫层析检测仪的图像采集系统如图1所 示。它由荧光试条放置平台、手持式变倍显微镜、紫 外发光二极管(UV LED)(365 nm 半峰全宽 30 nm)、窄带滤光片(615 nm 半峰全宽30 nm)组 成。荧光试条放置区用来放置荧光试条,设置了一 个适应荧光试条尺寸的卡槽来固定荧光试条的位 置。光源用来提供稳定持续的激发光,使荧光标记 物受激发产生荧光。窄带滤光片置于显微镜采集设 备的镜头前,主要是为了避免激发光和各种杂散光 进入系统,而只让受激发的荧光信号通过。采集设 备采用的是 Dino-Lite AM4113T 手持式光学变倍 显微镜(放大倍率为20~50倍),主要由光学显微镜 和 CMOS 图像传感器组成,在放大倍率为 40 倍、工 作距离为 9 mm 时的视场直径为 9.8 mm,可得到免 疫层析试条的高清晰荧光图像。采用光学显微镜获 得荧光图像可以得到更多的统计数据,从而减小误 差,提高信噪比,得到更加精确的结果。数据线将显 微镜采集设备采集到的荧光图像传输到计算机中进 行图像处理,最终得到试条浓度的特征值。



immune-chromatographic detector

2.2 检测仪的工作原理

荧光免疫层析试条的结构图如图 2 所示,主要 包括样品窗口、样品垫、结合垫、硝酸纤维素膜、吸水 垫等^[10]。结合垫上喷有荧光微球标记的抗体,在硝 酸纤维素膜上固定有检测线和质控线,检测线与质 控线上分别固定有包被抗原和二抗。将一定浓度的 待测溶液经由样品窗口滴在样品垫上,待测液会因 吸水垫的虹吸而发生层析作用,向吸水垫方向移动, 待测液中的抗原在结合垫上与荧光微球标记的抗体 通过免疫反应形成抗原-抗体结合物。该结合物层 析至 T 线时与包被抗原发生反应,产物在 T 线上富 集,其余物质会继续层析至 C 线与二抗结合,采用 T 线和 C 线区域灰度总值之比作为特征值来判断 待测物的浓度。

本课题组采用标准浓度质控检测卡检验系统的 有效性。检测卡的制备过程如下:取质量浓度为 10 g·L⁻¹的 BANGS 微球原液 10 μ L,用磷酸盐缓 冲液(PBS)稀释成 100,50,25,12.5,3.125 mg·L⁻¹。 使用喷膜划线仪在硝酸纤维素膜上划线,分别使得 C 线为 25 mg·L⁻¹的微球溶液,T 线依次为 100, 50,25,12.5,3.125,0 mg·L⁻¹的微球溶液(其中 0 mg·L⁻¹对应 PBS 缓冲液)。



Fig. 2 Structural diagram of fluorescent immune-chromatographic test strip

荧光免疫层析检测仪的基本工作原理如图 3 所示。对由荧光免疫层析仪采集系统采集到的荧光图像进行分割,再经荧光区域定位、背景滤除等处理后,计算反映待测物浓度的特征值。

为了计算荧光浓度的特征值,首先要分割出荧 光免疫层析试条图像的T线和C线区域。由于荧 光免疫层析试条图像中的T线和C线区域的 灰度值大于背景区域的灰度值,所以可以考虑基于 图像灰度的阈值分割。Otsu算法是经典的基于图 像灰度自动阈值确定算法,用该算法分割荧光试条 图像具有良好的效果。若将遗传算法与Otsu算法 结合则可以大大提高阈值选取的速度和精度。另 外,由于特定浓度的荧光试条图像的检测线和质控 线区域的灰度值有较大差异,对整幅图像使用一个 灰度阈值不能将检测线和质控线区域同时分割出 来。因此,利用荧光图像检测线和质控线位置相对 固定的特性,可使图像的检测线区域和质控线区域 测线区域和质控线区域分别进行阈值分割,这样的 分区域阈值可得到较好的分割结果。荧光区域定位 主要是为了弥补阈值分割的不足,消除荧光图像背 景中灰度值大于荧光区域的噪声。荧光区域定位主 要是采用形态学的开闭运算和基于窄带特性的目标 定位方法。形态学的开闭运算有助于消除图像中的 孤立噪点,基于窄带特性的目标定位方法基于荧光 区域为一个矩形窄带的特性,可以消除荧光区域的 毛刺和背景中较大噪声的干扰。荧光区域的边缘部 分不仅包含目标信号,还包含背景信号,因此在进行 特征值计算前需要先将背景信号滤除。由于荧光区 域周围的背景信号对荧光区域的影响较大,所以采 用周围元素法选择背景的局部区域。根据荧光区域 是一个矩形的特性,可以先得到分割后荧光区域的 最小外接矩形,对最小外接矩形进行扩展,使得该矩 形的4条边分别向四周扩展若干个像素,即可得到 包围荧光区域的背景。背景滤除就是将荧光区域的 每个像素值减去背景的平均灰度值。最后,通过计 算背景滤除后的荧光特征值求出待测物的浓度。





3 关键算法

3.1 分区域 Otsu 遗传算法

Otsu 算法^[11]是由 Otsu 提出的,它是在最小二乘 法原理的基础上推导出来的一种算法,具有分割效果 好、适用范围广、简单有效的优点。该算法的基本思 想是将图像直方图的某一灰度值作为阈值,将图像分 为两类,并计算类间方差。当被分的两类之间的方差 最大时,就将此灰度值作为分割图像的灰度阈值。 此算法因为需要遍历所有灰度级进行方差计算, 再经过比较得到最大方差,所以该算法的缺点是计算 量过大。遗传算法是一种结合遗传学原理和自然选 择法则的迭代寻优算法^[12],具有全局搜索能力好、收 敛性好、随机性良好等优点^[13]。针对 Otsu 算法计算 量大的问题,将 Otsu 算法与遗传算法结合,通过遗传 算法搜索和优化阈值。Otsu 遗传算法^[14-15]将传统的 图像分割技术与现代智能理论结合,不但提高了算法 的分割性能,还大大提高了算法的运算速度。

分区域 Otsu 遗传算法的步骤如下:

 1)编码。对荧光灰度图像的 0~255 个灰度值 进行编码,正好对应一个 8 位二进制,每个灰度值的 编码对应一个染色体。

2)初始化种群。假设初始化种群的规模为 s,则随机产生的 s 行 8 列矩阵即为初始种群。

3) 评价函数。评价函数又称适应度函数,通过 评价函数计算每个染色体的一个值,该值即代表该 染色体对实际问题的适应度,计算得到的适应度越 大,表示该染色体的适应度越强。在求 Otsu 算法 阈值的问题中,评价函数为类间方差。

 4)选择。根据每个染色体适应度定义一个选择概率,适应度越高,选择概率越大,确保了优秀的 染色体可以进入下一代。



5)杂交和变异。杂交运算是根据杂交概率对 染色体的一些位进行交换,从而产生新的染色体;变 异就是按照变异率对染色体的一位进行变异。这样 可以得到新的染色体种群,增加解的收敛速度。

6)终止条件。根据设定的最大迭代次数或当前群体平均适应度与上一代的平均适应度之比是否小于某一阈值来确定是否终止。

遗传算法初始化种群大小设为 10,杂交和变异 概率分别设置为 0.7 和 0.4。最大迭代次数设置为 50,当连续 5 代计算最佳适应度数值相同或达到最 大迭代次数时停止迭代。Otsu 算法求灰度阈值必 须对所有 256 个灰度值进行方差计算,通过比较得 到最大方差。而遗传算法可以快速求得最优阈值, 减少了计算方差的次数,提高了程序的运行速度,使 用遗传算法的程序运行时间比不使用遗传算法的程 序运行时间缩短了 1 s 左右。

当荧光试条浓度过高或过低时,荧光图像质控 线和检测线区域的亮度会有较大差异,使用单一阈 值分割得不到很好的分割效果。而由于荧光试条检 测线和质控线具有位置相对固定的特性,所以分别 采用 Otsu 遗传算法对 C 线和 T 线区域进行分割。 图 4 所示的实验结果表明,该方法对荧光试条图像 具有很好的分割效果。



图 4 荧光免疫层析试条分割效果。(a)荧光试条原图像;(b)经过分割后的二值图像

Fig. 4 Segmentation result of fluorescent immune-chromatographic test strip. (a) Original image of fluorescent test strip; (b) binary image after segmentation

3.2 荧光区域定位

在进行图像分割以后难免会出现孤立的噪点,这 些孤立的噪点会对最后的测量结果有很大影响。为 了去除这些噪点和减少荧光区域周围的干扰,采用形 态学开闭运算和基于窄带特征的目标定位方法。

首先对图像进行形态学的开运算,然后再进行 形态学闭运算,这样可以消除孤立的噪声点。开运 算和闭运算的结构元素均选取大小为5的盘型结构 元素。

为了消除背景中较大的噪声点以及减少荧光区

域周围的干扰,选择基于窄带特征的目标定位方法。 该方法的思想是利用荧光区域是一个水平窄条的先 验知识来统计分割后的二值图像中每列白色像素的 个数,将白色像素大于某一阈值的列作为荧光区域, 在荧光区域以外的列的所有像素归零。该方法对荧 光免疫复合物分布区域存在形态的随机性、不一致 性,以及因背景区域反光而带来的干扰具有较好的 适应性。一幅含有大块噪点的荧光图像如图 5 所 示,荧光区域定位算法的效果如图 6 所示。由 图 6(a)可以看出,一些荧光试条图像背景中可能有 亮度高、面积大的噪声图像。这样的噪声图像会干 扰阈值分割的效果。由图 6(b)可以看出,荧光定位 算法可以很好地去除这样的噪点,并且可以消除荧 光区域周围的毛刺。



图 5 含有噪声的荧光试条图像 Fig. 5 Image of fluorescent immune-chromatographic test strip with noise



3.3 背景滤除

荧光免疫图像的荧光区域不仅含有荧光信号, 还含有背景信号,所以在计算特征值前必须将背景 信号滤除。荧光图像背景具有以下特点:1)背景在 每个像素点分布不均匀,故而只能在局部区域考察 背景;2)背景表现为缓慢的变化,如果背景的变化 比较剧烈,表示靠近这些背景的点不可靠;3)背景 的分布类似于高斯分布^[16]。针对荧光图像背景的 这些特点,本课题组使用周围元素法选取荧光区域 周围的背景作为参考对象。根据荧光区域为矩形的 先验知识,可以得到荧光区域的最小扩展矩形,将此 矩形分别向4个边的方向向外扩展若干个像素,得 到的扩展矩形就包含了荧光区域周围的背景。将荧 光区域中的每个像素值减去这些背景的平均灰度值 即可完成背景滤除。



图 6 荧光区域定位效果图。(a)算法定位前;(b)算法定位后

Fig. 6 Effect images of fluorescent area positioning. (a) Before positioning by algorithm; (b) after positioning by algorithm

4 实验结果与分析

将 ESEQuant Lateral Flow Reader 荧光分析仪







图 7 ESEQuant 荧光分析仪实物图及检测结果。(a)实物图;(b)检测结果 Fig. 7 Picture and testing result of ESEQuant fluorescence analyzer. (a) Picture; (b) testing result

4.1 参数确定实验

通过实验方法确定基于窄带特性定位荧光区域 的阈值 N 和扩展的最小外接矩阵的扩展参数 X。

经过分割算法得到的二值图像中每列目标点的 数量如图 8 所示,图中两个矩形峰分别代表荧光图 像 T 线区域和 C 线区域,小峰代表荧光试条制备过 程中产生的噪声点,峰值在 50 左右。实验结果表 明,荧光免疫层析试条图像背景中的噪点长度不会 超过 100 个像素点,所以取定位荧光区域的阈值 N 为 100,这样就可以将荧光图像背景中的噪声去除。



binary image after segmentation

为了确定扩展的最小外接矩阵的扩展参数 X, 选取不同的 X 值对质量浓度分别为 3.125,12.5, 25,50,100 mg·L⁻¹的 5 种荧光试条进行特征值计 算。采用不同扩展参数 X 时,5 种浓度试条的计算 特征值与 ESEQuant 荧光分析仪的计算结果之差的 绝对值如图 9 所示。实验结果表明,当扩展参数 X=30 时,3 种浓度试条的荧光免疫层析仪计算特 征值与 ESEQuant 荧光分析仪的计算结果相差最 小。因此,选取 30 作为扩展参数 X 的取值。



图 9 采用不同扩展参数的计算结果与 ESEQuant 结果的差异 Fig. 9 Differences between calculated results using different extended parameters and ESEQuant results

4.2 分割性能实验

为了对 Otsu 遗传分割算法的分割效果进行客 观评价,采用区域一致性测度 U_M 和区域对比度 C_R 作为客观评价准则^[17]。其中 U_M 和 C_R 的表达式分 别为

$$U_{\rm M} = 1 - \frac{\sigma_1^2 + \sigma_2^2}{A}, \qquad (1)$$

$$C_{\rm R} = \frac{|f_{\rm o} - f_{\rm b}|}{|f_{\rm o} + f_{\rm b}|},\tag{2}$$

式中 A 为归一化参数,表示整幅图像的像素数; σ_i^2 为 第 *i* 个 分 割 区 域 的 方 差, $\sigma_i^2 = \sum_{(x,y)\in R_i} [f(x,y) - \mu_i]^2$,其中 f(x,y)为像素(x, y) y)的灰度值, R_i 为第 i 个分割区域, μ_i 为第 i 个分 割区域像素点的灰度平均值; f。和 f_b 分别为目标 区域的灰度平均值和背景区域的灰度平均值。U_M 越大,表示各区域的内部越均匀,分割算法的效果越 好。C_R 越大,表示目标区域和背景区域的对比度越 大,分割效果越好。

表1 分割性能评价结果

Table 1 Evaluation results of segmentation performan	ice
--	-----

Fluorescence	TT	CR	
concentration /(mg•L ^{-1})	U_{M}		
3.125	0.9925	0.4244	
12.5	0.9972	0.5342	
25	0.9975	0.6153	
50	0.9970	0.6498	
100	0.9956	0.6575	

从表 1 中可以看出: $U_{\rm M}$ 大于 0.99,表明分割后 区域的一致性测度比较高,分割效果比较好;随着荧 光试条浓度升高, $C_{\rm R}$ 值增大,表明目标区域和背景 区域的对比度增大。

4.3 测量结果的数据分析

采用一组浓度分别为 0,3.125,12.5,25,50, 100 mg•L⁻¹的标准浓度质控检测卡作为被测样本 来检验系统的有效性。使用 ESEQuant 荧光分析仪 和本课题组仪器测得了不同浓度试条的特征值,结 果如表 2 所示。

表 2 ESEQuant 与本课题组仪器测得的 不同浓度试条的特征值

 Table 2
 Eigenvalues of test strip with different concentrations

 tested by ESEQuant and our instrument

Fluorescence concentration $/(mg \cdot L^{-1})$	Our instrument	ESEQuant
0	0.2266	0.1338
3.125	0.3614	0.2516
12.5	0.6461	0.5287
25	1.0122	1.0018
50	1.7450	1.6942
100	3.2792	3.4854

由于四参数 Logistic 拟合法在绘制化学荧光免 疫分析标准曲线时的效果较好,所以根据表 2 的数 据采用四参数拟合法绘制浓度标准曲线^[18],其数学 模型为

$$Y = (A_1 - A_2) / [1 + (x/x_0)^p] + A_2, \quad (3)$$

式中 *r* 为荧光试备的浓度, *A*₁ 和 *A*₂ 分别为数据集

起始和终止数据, x_0 为数据集中间位置数据,p 为 四参数拟合曲线的陡峭程度。根据表 2 中的数据采 用四参数 Logistic 绘制的标准曲线如图 10 所示,拟 合结果如表 3 所示。从表 3 拟合结果可以看出,本 课题组提出的荧光免疫分析仪浓度标准曲线的拟合 度 $R^2 = 0.99944$,ESEQuant 荧光分析仪的浓度标准 曲线拟合度 $R^2 = 0.99689$ 。



图 10 浓度标准拟合曲线

Fig. 10 Standard fitting curves of concentrations

表 3 浓度标准曲线拟合结果

Table 3 Fitting results of concentration standard curves

Denementar	Fitting result		
rarameter -	ESEQuant	Our instrument	
A_1	0.1562	0.2487	
A_2	430359	7929060	
x_{0}	7707080	280011000	
р	1.0464	0.9956	
\mathbb{R}^2	0.99689	0.99944	

以浓度分别为 3.125,12.5,25,50,100 mg·L⁻¹ 的荧光免疫层析试条作为样本,对每种浓度试条进 行 10 次重复性检测,仪器计算特征值结果如表 4 所 示。使用标准差和变异系数 C_v 来检测仪器的重复 性。标准差和 C_v 值越小,表示数据的波动越小。 其中,变异系数 C_v 的表达式为

$$C_{\rm v} = \frac{S_{\rm D}}{M} \times 100\%$$
, (4)

式中 $S_{\rm D}$ 为数据的标准差,M为数据的平均值。由表4的结果可知,5组测试数据的标准差均小于 $0.04, C_{\rm v}$ 值均小于5%。

表 4	不同浓度试条特征值的重复性测试结果	

Table 4 Repetitive test results of eigenvalues of test strip with different concentrations

Testing number	Fluorescence concentration $/(mg \cdot L^{-1})$				
l esting number	3.125	12.5	25	50	100
1	0.3050	0.6058	1.1549	1.6568	4.6381
2	0.3063	0.6363	1.1955	1.6074	4.5679
3	0.3104	0.5888	1.1078	1.6000	4.5489
4	0.3204	0.6386	1.0873	1.6174	4.5489
5	0.3201	0.6000	1.1103	1.6219	4.5706
6	0.3235	0.5948	1.1030	1.6100	4.5706
7	0.3205	0.5794	1.1372	1.6184	4.5945
8	0.3205	0.5871	1.0828	1.6284	4.5165
9	0.3209	0.6376	1.1568	1.6007	4.5717
10	0.3196	0.6247	1.1421	1.6478	4.6115
Mean value	0.3180	0.6093	1.1278	1.6209	4.5739
${S}_{ m D}$	0.0057	0.023	0.0356	0.0190	0.0343
$C_{\rm v}/\sqrt[9]{0}$	1.79	3.77	3.16	1.17	0.75

5 结 论

本课题组设计了一款荧光免疫层析成像检测 仪,利用手持式变倍显微镜采集到清晰的层析试条 图像,通过计算荧光试条图像T线与C线灰度值的 比值,可以快速准确地实现荧光试条浓度的测量。 首先介绍了检测系统的基本结构和工作原理,分析 了分区域Otsu遗传算法、荧光区域定位算法和背 景滤除方法,并设计实验获得了算法所需参数。由 实验结果可知,本课题组提出的荧光免疫层析检测 仪可以对荧光免疫试条浓度进行快速准确的测量, 对质量浓度为 3.125~100 mg•L⁻¹的标准曲线的拟 合程度可达 0.99944,在 10 组重复性测量实验中,变 异系数均小于 5%,表明系统的重复性很好。

参考文献

- [1] Shyu R H, Shyu H F, Liu H W, et al. Colloidal gold-based immunochromatographic assay for detection of ricin [J]. Toxicon, 2002, 40(3): 255-258.
- [2] 李阳, 王云龙. 免疫层析技术的研究进展[J]. 中国

卫生检验杂志, 2015, 25(22): 3978-3980.

[3] Gao Y M, Li T Q, Lin C Y, et al. Fluorescent immune-chromatographic strip signal processing and feature selection [J]. Journal of Electronic Measurement and Instrumentation, 2015, 29 (5): 662-668.

> 高跃明,李天麒,林传阳,等.荧光免疫层析试条光 电信号处理及特征量选取[J].电子测量与仪器学 报,2015,29(5):662-668.

- [4] Huang L H, Zhou L, Zhang Y B, et al. A simple optical reader for upconverting phosphor particles captured on lateral flow strip [J]. IEEE Sensors Journal, 2009, 9(10): 1185-1191.
- [5] Reng B Q, Huang L H, Huang H J. Time-resolved fluorometer based on immunochromatography [J]. Chinese Journal of Scientific Instrument, 2009, 30 (6): 1330-1335.
 任冰强,黄立华,黄惠杰.基于免疫层析技术的时间 分辨荧光免疫分析仪研究[J].仪器仪表学报, 2009,

万开火兀见没万机仅研允[J]. 仅益仅衣子报, 2 30(6): 1330-1335.

- [6] Liu X, Du M, Li Y R, et al. Design of fluorescence immune-chromatographic quantitative detection system [J]. Journal of Electronic Measurement and Instrument, 2013, 27(9): 859-866.
 刘翔, 杜民, 李玉榕, 等. 荧光免疫层析定量检测系 统的设计与实现[J]. 电子测量与仪器学报, 2013, 27(9): 859-866.
- [7] Chen B T, Huang L H, Guo K, et al. Development of a high performance reader for colloidal gold lateral flow strip [J]. Chinese Journal of Lasers, 2013, 40 (7): 0704001.

陈贝特,黄立华,郭凯,等.一种高性能金标条阅读 仪的研制[J].中国激光,2013,40(7):0704001.

- [8] Zhang X Q, Li D, Wang C, et al. A CCD-based reader combined quantum dots-labeled lateral flow strips for ultrasensitive quantitative detection of anti-HBs antibody [J]. Journal of Biomedical Nanotechnology, 2012, 8(3): 372-379.
- [9] Gui C, Wang K, Li C, et al. A CCD-based reader combined with CdS quantum dot-labeled lateral flow strips for ultrasensitive quantitative detection of CagA [J]. Nanoscale Research Letters, 2014, 9(1): 57-64.
- [10] Paek S H, Jang M R, Mok R S, et al. Immunochromatographic membrane strip assay system for a single-class plasma lipoprotein cholesterol, exemplified by high-density lipoprotein cholesterol measurement [J]. Biotechnology &. Bioengineering, 1999, 62(2): 145-154.
- [11] Otsu N. A threshold selection method from gray-

level histograms[J]. IEEE Transactions on Systems, Man, and Cybernetics, 1979, 9(1): 62-66.

- [12] Zhang Y J, Xu J R, Fu X H. Method of Brillouin scattering spectrum character extraction based on genetic algorithm and quantum-behaved particle swarm optimization hybrid algorithm [J]. Chinese Journal of Lasers, 2016, 43(2): 0205002.
 张燕君,徐金睿,付兴虎.基于 GA-QPSO 混合算法 的 Brillouin 散射谱特征提取方法 [J]. 中国激光, 2016, 43(2): 0205002.
- [13] Wang K, Li Q, Lin H Z, et al. Ghost imaging with spatial light modulator based on genetic algorithm
 [J]. Acta Optica Sinica, 2016, 36(2): 0227002.
 王凯,黎全,林惠祖,等.基于遗传算法的空间光调制器鬼成像研究[J].光学学报, 2016, 36(2): 0227002.
- [14] Yang B. Image segmentation of the genetic algorithms on the base of Otsu[J]. Journal of Nature Science of Hunan Nomal University, 2003, 26(1): 32-36.
 阳波.基于最大类间方差遗传算法的图像分割方法

[J]. 湖南师范大学自然科学学报, 2003, 26(1): 32-36.

- [15] Hong H, Huo C H, Wang J, et al. Research on front target vehicle identification based on improved Otsu algorithm [J]. Computer Technology and Development, 2016, 26(6): 78-81.
 洪浩, 霍春宝, 王京, 等. 基于改进 Otsu 算法在前 方目标车辆识别中的研究[J]. 计算机技术与发展, 2016, 26(6): 78-81.
- [16] Hu B B. Information extraction and quantitative analysis of positive signals in tomographic chip[D]. Shanghai: Shanghai Jiao Tong University, 2010. 胡贝贝. 层析芯片阳性信号的信息提取和定量分析研究[D]. 上海:上海交通大学, 2010.
- Zhen X, Peng Z M. Image segmentation based on activity degree with pulse coupled neural networks
 [J]. Optics and Precision Engineering, 2013, 21(3): 821-827.

郑欣, 彭真明. 基于活跃度的脉冲耦合神经网络图像 分割[J]. 光学精密工程, 2013, 21(3): 821-827.

[18] Dong G Y, Zhao X, Zhang Y, et al. Development of portable up-conversion photoluminescence strip detector [J]. Optics and Precision Engineering, 2017, 25(3): 584-590.

> 董国亚,赵翔,张燕,等.便携式上转换荧光试纸条 检测仪的研制[J].光学精密工程,2017,25(3): 584-590.